

بررسی سیتوژنتیکی ژنوتیپ‌های حاصل از تلاقی‌های برگشتی پنبه‌های بومی سمنان و شهرضا با گونه *Gossypium arboreum*

زهرا هراتی^۱ و موسی‌الرضا وفایی تبار^{۲*}

(E-mail: mvafaiet@yahoo.com)

(تاریخ وصول: ۹۱/۰۶/۰۱ - تاریخ پذیرش: ۹۲/۰۴/۰۵)

چکیده

تحقیق حاضر به منظور مطالعه رفتار کروموزوم‌ها در میوز دو گونه *G. herbaceum* (بومی ایران)، گونه *G. arboreum* و هیبرید حاصل از تلاقی دو گونه و ژنوتیپ‌های حاصل از نتایج بک کراس چهارم آن‌ها انجام شد. ارقام مورد استفاده در این تحقیق عبارت بودند از بومی سمنان و بومی شهرضا (*G. herbaceum*) و رقم VTDL (*G. arboreum*). نتایج مطالعات رفتار کروموزومی نشان داد که در هیبرید F_1 کوادری‌والان‌های مجاور و متناوب با فراوانی نسبتاً بالایی تشکیل شدند. در جمعیت‌های حاصل از نتایج بک کراس چهارم نیز کوادری‌والان با فراوانی پایینی تشکیل شده بود. علاوه بر آن، ناهنجاری‌های دیگر مانند وجود یونی‌والان، تری‌والان و چنددسته‌شدن کروموزوم‌ها در متافاز ۲ و آنافاز ۲ نیز مشاهده شد که به دنبال آن انحراف از حالت تتراد مشاهده شد. بک کراس‌های متوالی سبب کاهش این ناهنجاری‌ها شده اند؛ به طوری که درصد بیشتر بوته‌های مورد مطالعه رفتار میوزی نرمالی داشتند. از آن‌جا که اصلاح همه صفات به طور همزمان و به خصوص از طریق تلاقی‌های دور در یک مرحله امکان پذیر نیست، دسترسی به نتایج به دست آمده می‌تواند در مراحل اولیه اصلاح ارقام بومی ایران بزرگ‌ترین گام باشد.

واژگان کلیدی: پنبه، کوادری‌والان، میوز، هرباستوم.

۱. دانش‌آموخته کارشناسی ارشد، گروه زراعت و اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، دانشگاه آزاد اسلامی، واحد علوم و تحقیقات، تهران - ایران
۲. استادیار، بخش تحقیقات پنبه و گیاهان لیفی، مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی استان تهران، ورامین - ایران (نویسنده مسئول مکاتبات*)

مقدمه

پنبه گیاهی گلدار (دولپه‌ای) از خانواده Malvaceae، زیرخانواده Hi-biceae و از جنس *Gossypium* است. جنس گوسپیوم شامل ۴۴ گونه دیپلوئید و پنج گونه تتراپلوئید است (۱۷). برای اولین بار، با شمارش کروموزوم در پنبه مشخص شد که پنبه‌های دنیای قدیم (*G. arboreum* و *G. herbaceum*) شامل $2n=2x=26$ کروموزوم اند (۵ و ۱۰). اختلاف کلی در دو ژنوم هر باسئوم و آربورئوم در وجود ترانسلوکاسیون بین دو کروموزوم شماره ۱ و ۲ است که در گونه آربورئوم اتفاق افتاده است و به سبب آن در میوز نسل اول بین دو گونه کوادری‌والان تلاقی تشکیل می‌شود (۸). در بررسی کاربیلوژیکی ارقام *G. herbaceum* بومی ایران مشاهده شد که به‌طور کلی کاربیلوژیکی ارقام این گونه متقارن‌اند و کروموزوم‌های کوچک دارند. بزرگ‌ترین طول کلی کروموزوم‌ها به رقم سبزوار ۴۶/۴۶ میکرومتر و کوچک‌ترین این مقدار به رقم محلات ۲۳/۸۳ میکرومتر مربوط بود (۱۴).

در پژوهشی که ساختمان‌های کروموزومی در ترانسلوکاسیون‌های هتروزیگوت و جهت‌گیری‌های آن‌ها هنگام تقسیم میوز بررسی شد، کوادری‌والان‌های بزرگ متقارن (ترانسلوکاسیون‌های A و A) به‌طور تعداد زیادی از جهت‌گیری‌های متناوب در متافاز ۱ تمایل داشتند، درحالی که حلقه‌های کوچک (D, D) اغلب فرم مجاور را ارائه می‌دادند و لاین‌های دیگر به‌طور تصادفی فرم حلقه و زنجیره را دارا بودند (۳). مطالعه‌ای روی ویژگی‌های سیتوژنتیکی لاین‌های پنبه تتراپلوئید (*G. hirsutum*) با ترانسلوکاسیون‌های متفاوت نشان داده است که کروموزوم‌های ترانسلوکاسیونی از طریق گرده و تخمک به آسانی انتقال پذیرند و می‌توان آن‌ها را در حالت هموزیگوس نگه داشت (۹). در کوادری‌والان‌های پنبه‌های تتراپلوئید (*G. hirsutum*) چندین نوع جهت‌گیری سانترومری مشاهده شده است که دارای ترانسلوکاسیون‌های هتروزیگوس‌اند، به‌طوری که علاوه بر فرم‌های متناوب و مجاور، جهت‌گیری سومی به نام متناوب سه، به‌صورت یک نوع، رخ می‌دهد؛ این نوع سه‌بعدی و دارای ساختمان V شکل است. همچنین، در ترانسلوکاسیون‌های هتروزیگوس دو نوع تفرق دیگر مشاهده شده است که در آن‌ها جهت‌یابی سانترومر حالت شکل تغییر یافته چرخشی از وضعیت‌های مجاور و متناوب است (۶).

در مطالعه‌ای که روی میوز در سلول‌های مادر گرده در هیبرید تتراپلوئید $3x$ (AAD) حاصل از تلاقی *G. hirsutum* تتراپلوئید و *G. arboreum* دیپلوئید انجام شد، پیش‌بینی می‌شد که ۱۳ بایوالان (AA) و ۱۳ یونی‌والان (D) در متافاز یک میوز وجود داشته باشد، ولی در سلول‌های

مادر گرده ۸ تا ۱۲ بایوالان و ۱۲ تا ۱۷ یونی‌والان مشاهده شد (۱۸). یونی‌والان‌ها به‌صورت تک‌ یا گروهی پراکنده بودند. برای اولین بار در تتراپلوئیدهای به‌دست آمده، طی مرحله میوز دوم، کروموزوم‌ها به‌صورت دسته‌هایی بیش از دو گروه با سطوح پلوئیدی متفاوت مشاهده شدند. به‌عبارتی، در آنافاز دوم، سلول‌های مادری گرده فقط در ۳/۲ درصد از موارد تفرق دودسته‌ای و نرمال کروموزومی داشتند و در سایر موارد دارای چندین دسته رشته‌های دوکی دوقطبی بودند که اغلب تعداد آن‌ها به شش دسته می‌رسید. تعداد کروموزوم‌ها در رشته‌های دوکی فرعی (سوم به بعد) در مقایسه با رشته‌های دوکی اصلی کمتر گزارش شد؛ به‌طوری که در مواردی تعداد آن‌ها به یک کروموزوم نیز می‌رسید.

در مطالعات رفتار کروموزومی روی هیبرید حاصل از تلاقی *G. arboreum* × *G. herbaceum* نشان داده شد که فراوانی کیاسما پایین است و کروموزوم‌ها گاهی به‌صورت ۱۴-۱۲ تفکیک می‌شوند (۱۵). تشکیل بایوالان‌ها در این هیبرید و وجود پل‌ها در متافاز ۱ و به‌هم‌پیوستگی چهار کروموزوم دلیل خوبی برای شباهت میان کروموزوم‌هاست (۱۹). مطالعات سیتولوژیکی روی هیبریدهای حاصل از تلاقی گونه‌های دیپلوئید پنبه بومی بندرعباس و آریا با گونه آربورئوم و نتایج حاصل از تلاقی برگشتی آن‌ها نشان داده است که در هیبریدهای F₁، کوادری‌والان‌های مجاور و متناوب با فراوانی نسبتاً بالایی تشکیل می‌شوند. این کوادری‌والان‌ها، حتی پس از چهار نسل تلاقی برگشتی با گونه آربورئوم، با فراوانی پایینی در نتایج مشاهده شدند. علاوه بر تشکیل کوادری‌والان، ناهنجاری‌های دیگری مانند وجود یونی‌والان، تری‌والان و چنددسته شدن کروموزوم‌ها در متافاز ۲ و آنافاز ۱ نیز گزارش شده و به دنبال آن انحراف از حالت تتراد نیز مشاهده شده است (۲).

مطالعات سیتوژنتیکی روی گونه‌های گیاهی، همچنین جمعیت‌های آن‌ها، به‌ویژه گیاهان وحشی و بومی، اهمیت زیادی دارد. وجود اختلاف در شکل و اندازه کروموزوم‌ها در تقسیم میتوز، همچنین رفتار آن‌ها طی مراحل تقسیم میوز، به‌ویژه تقسیم کیاسما، ممکن است بیانگر تنوع ژنتیکی باشد. گونه آربورئوم، به‌مثابه ذخیره ژنتیکی اولیه، می‌تواند به‌راحتی با گونه هر باسئوم تلاقی کند و پتانسیل نوترکیبی بالایی را در نسل F₁ از خود نشان دهد؛ بنابراین تلاقی این دو گونه زمینه مناسب و جدیدی را برای اصلاح و ارقام مربوط به آن‌ها ایجاد می‌کند (۱). ارقام بومی ایران دیپلوئید و به تنش‌های محیطی

سه قسمت اتانول خالص) قرار گرفتند تا سلول‌ها در همان مرحله از تقسیم تثبیت شوند. بساک‌های موجود در غنچه‌های تثبیت شده خارج شدند و پس از رنگ آمیزی سلول‌ها با استوارسین (با غلظت ۱ درصد) و تهیه اسلایدهای میکروسکوپی، لام‌های تهیه شده با میکروسکوپ نوری (Olympus BX50) با بزرگ‌نمایی‌های ۱۰ و ۱۰۰ بررسی شدند و از سلول‌هایی که در مراحل گوناگون میوزی (از قبیل پروفاز، متافاز ۱ و ۲، آنافاز ۱ و ۲، تروفاز ۱ و ۲ و تتراد) و مناسب بودند عکس برداری شد. در هر ژنوتیپ (اعم از والد و هیبریدهای F_1 و بک کراس‌ها) که در مرحله متافاز ۱ میوزی بررسی شد، حضور یا والان‌ها، تعداد کوادری‌والان‌ها، نوع جهت‌گیری کوادری‌والان (مجاور و یا متناوب) و همچنین تعداد یونی‌والان‌ها (در صورت وجود) ثبت شد. ویژگی‌های دیگری که به مراحل آنافازی و تروفازی ۱ و ۲ مربوط بودند نیز ثبت شدند و از آن‌ها عکس برداری شد؛ ویژگی‌هایی از قبیل عقب‌ماندن کروموزوم‌ها طی آنافازهای ۱ و ۲ و یا انتقال یک جفت هومولوگ به یک قطب و آنیپلوئید شدن قطب دیگر طی آنافاز و تروفاز و همچنین چسبندگی کروموزوم‌ها بین دو قطب.

نتایج و بحث

بررسی‌های سیتوژنتیکی نتایج حاصل از تلاقی‌های آربورنوم × ارقام بومی

نتایج مطالعات رفتار کروموزومی در هیبریدهای F_1 نشان داد که کوادری‌والان‌های مجاور و متناوب در متافاز ۱، در هیبرید حاصل از تلاقی‌های ذکر شده، با فراوانی نسبتاً بالایی تشکیل می‌شوند. گزارش شده که اختلاف کلی در دو ژنوم هر باسئوم و آربورنوم در وجود ترانسلوکاسیون بین دو کروموزوم شماره ۱ و ۲ است که در گونه آربورنوم اتفاق افتاده است. این امر سبب حضور کوادری‌والان در نسل اول حاصل از تلاقی بین دو گونه ذکر شده می‌شود (۸).

نتایج حاصل از مطالعه رفتار کروموزوم‌ها در F_1 حاصل از تلاقی آربورنوم با بومی سمنان در شکل ۱ نشان داده شده است. در ۵۰ درصد سلول‌های مشاهده شده در مرحله متافاز ۱، کوادری‌والان مجاور و متناوب دیده شد. در مطالعه‌ای روی F_1 حاصل از تلاقی آربورنوم با بومی آریا و بندرعباس، وقوع کوادری‌والان مجاور و متناوب در مرحله متافاز ۱ به میزان ۶۰ درصد گزارش شده است (۲). در نتایج F_1 حاصل از تلاقی آربورنوم با پنبه تتراپلوئید (*G. hirsutum*) نیز وجود کوادری‌والان گزارش شده است (۱۸ و ۱۹). در جهت‌گیری

مقاوم‌اند. یکی از علت‌های عمده کاهش سطح زیر کشت این ارقام عملکرد پایین و کیفیت الیاف نامطلوب‌تر این ارقام در مقایسه با ارقام تتراپلوئید است. این ارقام به بعضی از بیماری‌های مهم پنبه ایمن‌اند و از طرفی تحمل بالایی به خشکی دارند؛ بنابراین، در صورتی که مشکل کیفیت الیاف آن‌ها حل شود، برای کشت در قسمت وسیعی از زمین‌های پنبه کاری ایران مناسب خواهند بود (۱).

هدف این پژوهش بررسی تنوع سیتوژنتیکی از نظر هنجاربودن مراحل تقسیم میوز در نتایج حاصل از تلاقی و بک کراس‌هایی است که بین ارقام پنبه بومی ایران (بومی سمنان و شهرضا) و رقم گونه آربورنوم وارداتی جدید صورت گرفته است.

مواد و روش‌ها

در این تحقیق از دو رقم بومی ایران (بومی سمنان و بومی شهرضا) به مثابه والد مادری و بک رقم از گونه آربورنوم به نام VTDL (که کیفیت الیافش مطلوب است و از هندوستان وارد ایران شده است) به مثابه والد پدری استفاده شد. بک کراس‌های مورد بررسی از تلاقی‌هایی به دست آمده‌اند که والدین آن‌ها در سال ۱۳۸۳، به صورت شش خط مادری و چهار خط پدری در کنار یکدیگر، در ایستگاه مرکزی مرکز تحقیقات کشاورزی ورامین کشت شدند. عقیم‌سازی گل‌ها به صورت دستی و روزانه بین ساعت ۴ تا ۷ بعد از ظهر به مدت ۴۰ روز از زمان شروع گلدهی انجام شد و گرده‌افشانی نیز در روز بعد از عقیم‌سازی بین ساعت ۸ تا ۱۰ صبح انجام شد. تمامی بذرها در دورگ حاصل در آخر فصل (آبان‌ماه) به تفکیک برداشت شد و در سال دوم آزمایش (۱۳۸۴)، هریک از دورگ‌های حاصل در خطی ۱۰ متری کنار والدین کشت شدند. از زمان شروع گلدهی تلاقی‌های بک کراس هر یک از دورگ‌ها با والد مربوطه خود (بومی ایران) انجام شد و کلیه بذرها حاصل از بک کراس به تفکیک برداشت شد. در سال سوم آزمایش (۱۳۸۵)، مانند سال دوم، تمامی بک کراس‌ها بین نتایج و والد بازگرداننده انجام شد. در این تلاقی‌ها از والد بازگرداننده به مثابه والد پدری استفاده شد. طی سال آخر (۱۳۸۶) تک‌تک بوته‌ها در نتایج بررسی و تیپ‌های ممتاز انتخاب شدند.

جهت بررسی مراحل میوزی از سلول‌های مادری دانه گرده استفاده شد که در حال تولید گرده‌اند. در پنبه، بهترین مرحله استفاده از غنچه‌هایی است که حدوداً به ابعاد 1×1 سانتی‌متر رسیده باشند. غنچه‌هایی که روزانه جمع‌آوری می‌شدند، بلافاصله حداقل به مدت یک هفته، در محلول فیکساتیو کارنوی (یک قسمت اسید استیک،

(D-2) مشاهده می‌شود، در یک قطب سلول تعداد ۱۳ کروموزوم را می‌توان شمارش کرد. در برخی از سلول‌های متافاز ۲، در صفحه متافازی، به جای دو دسته کروموزوم، تعداد سه دسته کروموزوم آماده ورود به مرحله آنافاز ۲ بودند که این امر در مراحل بعدی سبب ناهنجاری خواهد شد (شکل ۲-E). چنین حالتی پیش‌تر در F_1 های تریپلوئید پنبه نیز گزارش شده بود که از تلاقی گونه تریپلوئید هیرستوم با گونه دیپلوئید آربورئوم به دست آمده‌اند (۱۸).

در بین سلول‌های متافاز ۲ مورد بررسی، در حالت بسیار نادری، تعداد زیادی رشته‌های دوک در یک سلول تشکیل شده بود؛ به طوری که بین یک تا چهار کروموزوم در امتداد دوک‌ها دسته‌بندی شده بودند. این حالت حداکثر بی‌نظمی را در گروه‌بندی و جهت‌گیری جمعی کروموزوم‌ها در مرحله تقسیم متافاز ۲ نشان داد (شکل ۲-F). در مطالعه‌ای روی F_1 حاصل از تلاقی آربورئوم با بومی آریا و بندرعباس گزارش شده است که در موارد نادر آنافاز ۱ کروموزوم سرگردان و کشیدگی کروموزوم در وسط سلول در متافاز ۲ مشاهده شده است (۲). بدیهی است که وجود ناهنجاری‌هایی مانند تشکیل کوادری‌والان‌ها، یون‌والان‌ها و یا تفرق غیرطبیعی کرماتیدها در آنافاز ۲ سبب از بین رفتن و فقدان برخی صفات در لاین‌های مورد نظر در نسل‌های آینده خواهد شد و پروژه تولید لاین‌های مناسب را با شکست مواجه خواهد کرد (۱ و ۲).

بررسی‌های سیتوژنتیکی جمعیت‌های حاصل از نتایج

بک کراس چهارم آربورئوم × بومی شهرضا

تعداد پنج بوته از جمعیت‌های حاصل از نتایج بک کراس چهارم آربورئوم × بومی شهرضا که در یک ردیف ۱۰ متری کشت شده بودند بررسی شد. در این نتایج از بین پنج بوته مورد مطالعه سه بوته رفتار میوزی کاملاً نرمال نشان دادند و در دو بوته، در یک یا چند مرحله از تقسیم میوز ناهنجاری‌هایی مشاهده شد (شکل ۲). در ۱۰ درصد سلول‌های مشاهده‌شده در مرحله متافاز ۱ تجمع‌های کوادری‌والانی مشاهده شد (شکل ۲-I). وجود کوادری‌والان در مرحله متافاز ۱ سبب تشکیل پل کروموزومی بین دو قطب در مرحله متافاز ۲ شد که حاکی از کشیدگی کروموزومی در آنافاز ۱ است که تا این مرحله باقی مانده است (شکل ۲-K). این حالت در هیبرید میان *G. herbaceum* × *G. arboreum* مشاهده شده است که وجود پل‌ها در متافاز ۱ و به هم پیوستگی چهار کروموزوم دلیل خوبی برای شباهت میان کروموزوم‌هاست (۱۹). از بین دو بوته، در یک مورد آن، در آنافاز ۱

ترانسلوکاسیون‌های هتروزیگوت در پنبه، کوادری‌والان‌های بزرگ متقارن (ترانسلوکاسیون‌های A و A) به ظهور تعداد زیادی از جهت‌گیری‌های متناوب در متافاز ۱ تمایل داشته‌اند، درحالی‌که حلقه‌های کوچک (D, D) اغلب فرم مجاور را ارائه داده‌اند و لاین‌های دیگر به‌طور تصادفی فرم حلقه و زنجیره را دارا بوده‌اند (۳). در موارد نادری در مرحله آنافاز ۱، کروموزوم سرگردان دیده شد و در مرحله متافاز ۲، کشیدگی کروموزوم در وسط سلول مشاهده می‌شد (شکل ۱-J). سایر مراحل تقسیم در بوته‌های مطالعه‌شده در این F_1 نیز کاملاً نرمال و بدون ناهنجاری مشاهده شد.

نتایج حاصل از مطالعه رفتار کروموزوم‌ها در F_1 حاصل از تلاقی آربورئوم با بومی شهرضا در شکل ۱ نشان داده شده است. در ۱۰ سلول که در مرحله تقسیم متافاز ۱ قرار داشتند، کوادری‌والان متناوب مشاهده شد و برخلاف F_1 حاصل از تلاقی آربورئوم با بومی سمنان، کوادری‌والان مجاور دیده نشد. سایر مراحل تقسیم نیز کاملاً نرمال و بدون ناهنجاری بود.

وجود کوادری‌والان سبب ایجاد شکست و بست‌هایی در آنافاز اول میوز می‌شود و در نهایت به نبودن تعادل در تفرق کروموزومی و گرده‌هایی منجر می‌شود که ۱۳ کروموزوم را با کمبود و یا اضافه در خصوص کروموزوم اول و دوم به نسل بعد منتقل می‌کند (۳ و ۱۸).

بررسی‌های سیتوژنتیکی جمعیت‌های حاصل از نتایج

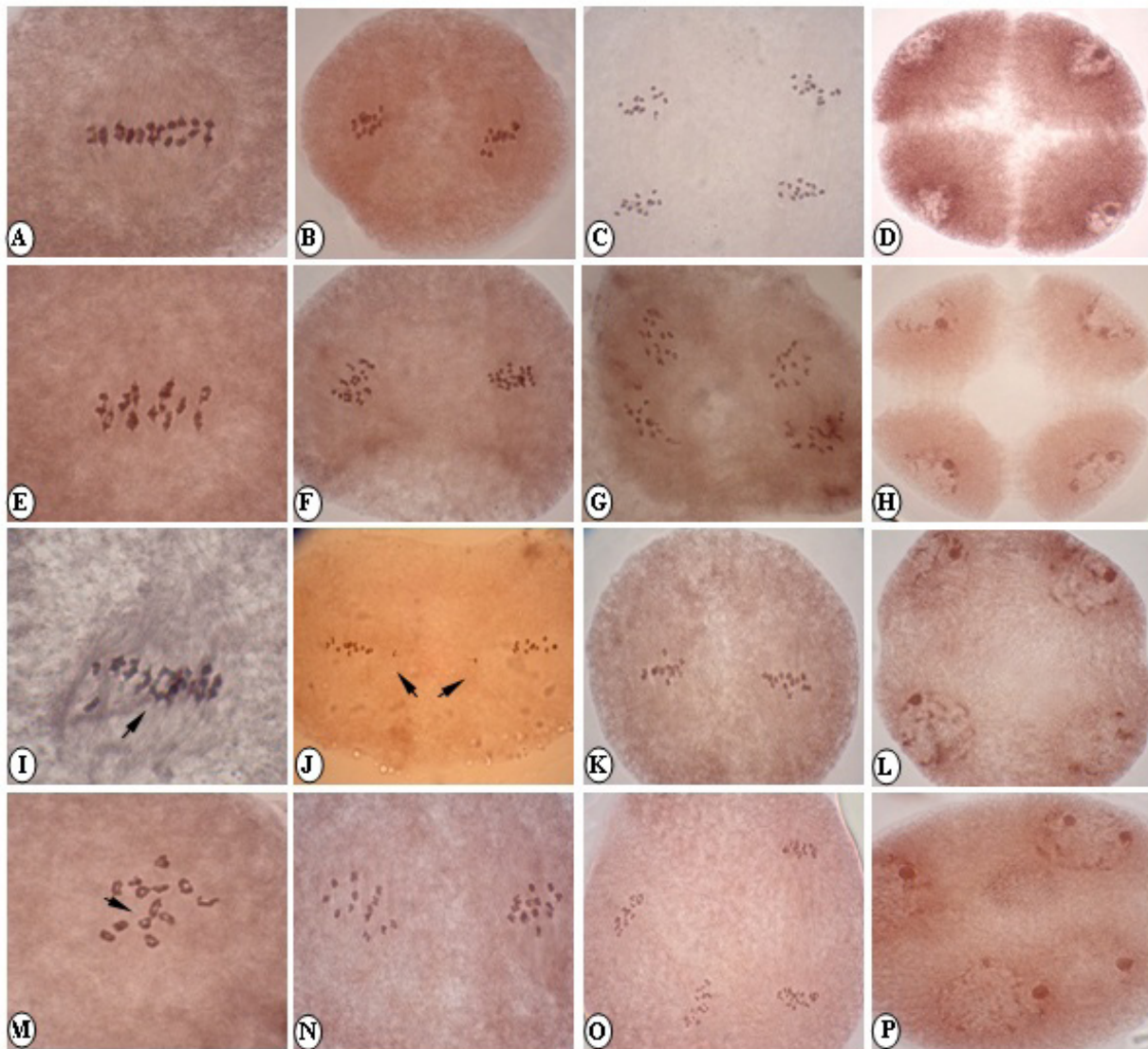
بک کراس چهارم آربورئوم × بومی سمنان

تعداد ۱۰ بوته در جمعیت‌های حاصل از نتایج بک کراس چهارم آربورئوم × بومی سمنان بررسی شد که در دو ردیف ۱۰ متری کشت شده بودند. نتایج نشان داد که هشت بوته میوز نرمال داشتند و دو بوته در رفتار کروموزوم‌ها، طی مراحل میوز، ناهنجاری‌هایی نشان دادند. در هر دو بوته، در مرحله تقسیم متافاز ۱، تجمع‌های کروموزومی به‌صورت کوادری‌والان با فراوانی ۱۰ تا ۲۰ درصد وجود داشت (شکل ۲). کوادری‌والان‌های مشاهده‌شده به هر دو صورت مجاور و متناوب ظاهر شدند. پیش‌تر نیز گزارش شده بود که این کوادری‌والان‌ها، حتی پس از چهار نسل تلاقی برگشتی با گونه آربورئوم، با فراوانی پایینی در بین نتایج مشاهده می‌شود (۲). کشیدگی کروموزوم‌ها بین دو قطب هنگام جداسازی کروموزوم‌های هومولوگ از یکدیگر در مرحله آنافاز ۱ مشاهده‌پذیر بود (شکل ۲-C).

در یک مورد از سلول‌های متافاز ۲، رشته‌های دوک به‌صورت افقی و عمودی در سلول جهت‌گیری کرده بودند و همان‌طور که در شکل

برای تعیین قرابت ژنومی و سطح واگرایی ژنومی در پنبه از فراوانی کروموزوم‌های یونی‌والان استفاده شده است. این شاخص، در مقایسه با کاربرد مولتی‌والان‌ها، برای تمایز بین گونه‌ای مناسب‌تر است و مشخص شده است که ژنوم‌های A تا E از یک نژاد اصلی و پایه منشعب شده‌اند (۱۱). در تعدادی از سلول‌های مورد بررسی در مرحله متافاز و آنافاز ۲، تعداد سه دسته کروموزوم در امتداد سه دسته رشته‌دوک تشکیل شده

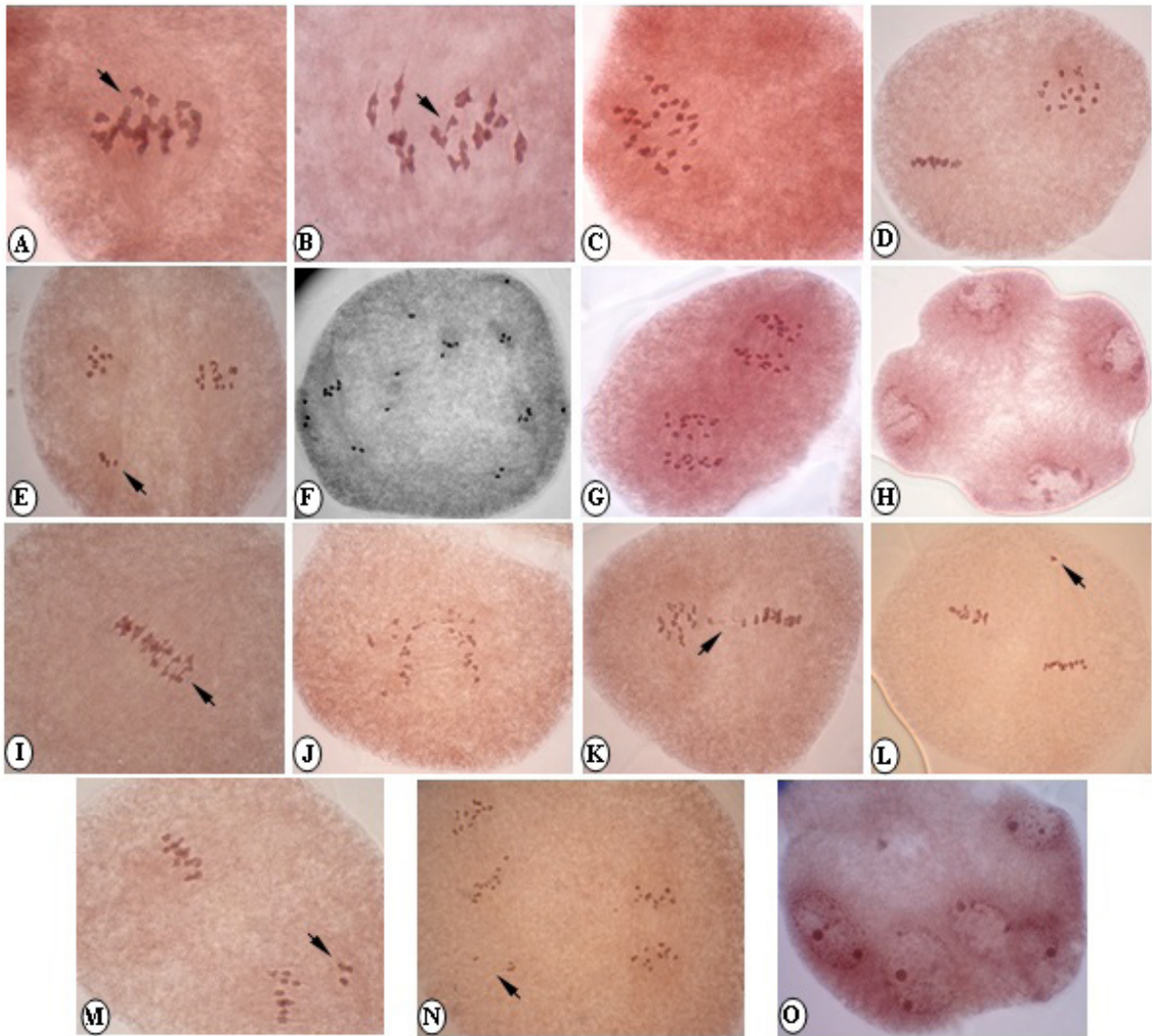
کروموزوم‌های سرگردان مشاهده شدند که همراه دسته کروموزوم‌های اصلی نبودند و با تأخیر حرکت می‌کردند (شکل ۲-L). وجود کروموزوم‌های سرگردان و پل‌های کروموزومی به تعداد اندک احتمالاً سبب خواهد شد که در نسل بعد برخی از نتایج فاقد یک کروموزوم و یا قطعه‌ای از کروموزوم شوند و با جست‌وجوی دقیق‌تر در نتایج به پایه‌های ژنتیکی متنوعی خواهیم رسید.



شکل ۱. مراحل گوناگون میوز در بومی سمنان (A-D)، بومی شهرضا (E-H)، F_1 تلاقی آربورنوم × بومی سمنان (I-L) و F_1 تلاقی آربورنوم × بومی شهرضا (M-P).
 پیکان‌ها در I و M نشان‌دهنده کوادری‌والان و در J نشان‌دهنده کشیدگی کروموزوم بین دو قطب متافاز ۲ است.

شده (۱۸) و بدیهی است که در این شرایط گرده تولیدشده از نظر تعداد کروموزوم ناقص خواهد بود. شرایط ایجادشده در بوته‌های فوق فرصت‌های خوبی را برای تولید لاین‌های ژنتیکی با یک یا دو کروموزوم اضافه و یا کمبود در اختیار ما خواهد گذاشت و می‌توان از آنها برای تولید آنیوپلوئیدها استفاده کرد.

بود که در دسته سوم تعداد کروموزوم‌ها اکثراً اندک بود (شکل ۲- M و N) و در حالاتی بدون تقسیم به صورت سرگردان داخل سلول دیده می‌شدند. چنددستگی کروموزوم‌های در حال تقسیم و جهت‌گیری متفاوت رشته‌های دوکی آنها سبب شد که به جای تتراد حالت‌هایی مانند هگزاد و یا بیشتر دیده شود (شکل ۲- O). این حالت در تریپلوئید حاصل از تلاقی گونه هیرستوم (تتراپلوئید) با گونه آرپورنوم (دیپلوئید) گزارش



شکل ۲. مراحل گوناگون میوز در جمعیت‌های حاصل از نتایج یک کراس چهارم آرپورنوم × بومی سمنان (A-H) و در جمعیت‌های حاصل از نتایج یک کراس چهارم آرپورنوم × بومی شهرضا (I-O). پیکان‌ها در A و B و I نشان‌دهنده کوادری‌والان، در E و M و N نشان‌دهنده دسته سوم کروموزوم‌ها، در K نشان‌دهنده کشیدگی کروموزوم‌ها و در L نشان‌دهنده کروموزوم سرگردان است.

نتیجه گیری

انتقال پایدار ژن‌های مربوط به کیفیت الیاف به رقم‌های بومی ایران یکی از هدف‌های ارزشمند اصلاحی در برنامه‌های به‌نژادی تحقیقات پنبه در ایران است. ناهنجاری‌های کروموزومی، که به سبب وجود کوادری‌والان بین کروموزوم‌های ۱ و ۲ از نسل اول تلاقی به وجود آمده‌اند، سبب بی‌ثباتی و ایجاد نقص‌هایی در ویژگی‌های ظاهری بوته‌ها شده‌اند، ولی بک کراس‌های متوالی سبب تثبیت بیشتر و کاهش این ناهنجاری‌ها شده‌اند؛ به طوری که درصد بیشتر بوته‌های مورد مطالعه رفتار میوزی نرمال داشتند. شایان ذکر است که لاین‌های به دست آمده ممکن است از نظر یک یا دو صفت از والد بومی خود برتر نباشند، ولی در سایر صفات برتر باشند. از آنجا که اصلاح همه صفات به طور همزمان و به خصوص از طریق تلاقی‌های دور در یک مرحله امکان پذیر نیست، دسترسی به نتایج به دست آمده می‌تواند در مراحل اولیه اصلاح ارقام بومی ایران بزرگ‌ترین گام باشد، زیرا دست کم طول الیاف و برخی صفات کیفیت الیاف آن‌ها ارتقا یافته است. در مقابل، بوته‌هایی که طی مراحل میوز رفتارهای ناهنجاری از خود نشان می‌دهند می‌توانند برای تولید پایه‌های سیتوژنتیکی بهترین منبع باشند و در مطالعه و شناخت بیشتر صفات و پیوستگی و همچنین مکان‌یابی ژن‌ها استفاده شوند.

منابع

۱. وفایی تبارم (۱۳۸۷)، بهبود کیفیت الیاف پنبه‌های بومی ایران از طریق تلاقی با منابع ژنتیکی وارداتی، انتشارات مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی ورامین، ۶۶.
۲. هراتی ز، وفایی تبارم. و خسروشاهلی م (۱۳۹۰) "مطالعه سیتولوژیک و مورفولوژیک هیبریدهای حاصل از تلاقی دو گونه دیپلوئید پنبه بومی بندرعباس و آریا با گونه آربورئوم (*G. arboreum*)"، زیست‌شناسی گیاهی، ۸ (۳): ۹۰-۷۷
3. Brown MS, Menzel MY, Hasankampf CA and Naqi S (1981) "Chromosome Configurations and Orientation in 58 Heterozygous Translocations in *G. hirsutum*," *Heredity*, 72: 161-168.
4. Chochran DG and Ross MH (1977) "The Cytogenetics of T(11;12), a Reciprocal Translocation in the German Cockroach," *Heredity*, 68:379-382.
5. Denham HJ (1924) "The cytology of the cotton plant. II. Chromosome number of Old and New World cotton," *Annals of Botany*, (London) 38:433-438.
6. Endrizzi D, Day T and Gathman AC (1983) "Centromer Orientation of Quadrivalents of Heterozygous Translocations and an Autoploid of *G. hirsute*," *Genetics*, 105: 723-731.
7. Kohel RJ and Lewis CF (1984) *Cotton*. American Society of Agronomy, Inc. Madison, Wisconsin, USA, 605.
8. Menzel MY and Brown MS (1953) "The tolerance of *Gossypium hirsutum* for deficiencies and duplications," *The American Naturalist*, 843: 407-418.
9. Menzel MY, Hasenkampf CA, Dougherty BJ, Richmond KL and Campbell LB (1986) "Characteristics of and Deficiencies from Chromosome Translocation in *G. hirsutum*," *Heredity*, 77: 189-201.
10. Nikolajeva A (1923) A hybrid between Asiatic and American cotton plant *Gossypium herbaceum* and *G. hirsutum*. *Bulletin Applied Botany Plant Breeding*. 13: 117-134 .
11. Phillips LL (1974) *Cotton (Gossypium)*. In ² Handbook of Genetic², (RC.King.ed.), Vol.2, PP. 111-133. Plenum, New York.
12. Ramage RR (1964) Chromosome aberration and their use in genetics and breeding-translocation. *Proceedings 1st*

- International Barley Genetics Symposium, Wageningen. 1963.
13. Ray DT (1981) "Identification of the Chromosomes in A Set of Reciprocal Translocations in *G. hirsutum* L.," Ph.D. Dissertation, University of Arizona, Tucson..
 14. Sheidaie M, Vojdani P and Alishah O (1996) "Karyological Studies in *G. herbaceum* Cultivars of Iran," *Cytologia*, 61: 365374-.
 15. Skovsted A (1933) "Cytological studies in cotton. I. The mitosis and meiosis in diploid and triploid Asiatic cotton," *Ann. Bot*, 47: 227231-.
 16. Skovsted A (1935) "Cytological studies in cotton. III. A hybrid between *Gossypium davidsonii* and *G. sturtii*," *Genetics*, 30: 397405-.
 17. Stewart J (1995) "Potential for crop improvement with exotic germplasm and genetic engineering," In *Challenging the future: Proceeding of the World Cotton Research Conference-I*. Brisbane Australia Feb. 14,17-1994. G.A. Constable and N.W. Forrester (Eds), CSIRO, Melbourne, Australia. 313327-.
 18. Vafaie-Tabar M and Chandrashekar S (2007) "Meiosis in a triploid hybrid of *Gossypium*: high frequency of secondary bipolar spindles at metaphase II," *Genetics*, 86: 4549-.
 19. Webber JM (1935) "Interspecific hybridization in *Gossypium* and the meiotic behavior of F1 plants," *Agricultural Research*, 51: 10471070-.