

توانایی تجزیه زیستی فناترن توسط سویه باکتریایی شور دوست جداسازی شده از خاک شور و سدیمی آلوده به پسماند نفت خام منطقه سراجه قم

ملک حسین شهریاری^{۱*}، غلامرضا ثواقبی فیروزآبادی^۲، احمدعلی پوربابایی^۳

^۱دانشجوی دکتری، ^۲آستاد، ^۳آستادیار، دانشکده مهندسی و فناوری کشاورزی،

پردیس کشاورزی و منابع طبیعی دانشگاه تهران

(تاریخ دریافت: ۱۳۹۰/۱۰/۲۱ - تاریخ تصویب: ۱۳۹۱/۸/۲۰)

چکیده

بیشتر هیدروکربن‌های آروماتیک چندحلقه‌ای از انواع آلاینده‌های جهش‌زا و دارای پتانسیل سرطان‌زایی می‌باشند. اگر چه چندین سویه تجزیه کننده هیدروکربن‌های آروماتیک چندحلقه‌ای در شرایط طبیعی تشخیص داده شده‌اند، اما در این تحقیق، تجزیه فناترن به عنوان مدلی از هیدروکربن‌های آروماتیک چندحلقه‌ای در شرایط شور توسط سویه جدیدی از باکتریایی شور دوست *Halobacillus dabanensis* (سویه Q-SH1) مطالعه گردید. این سویه باکتریایی دارای توانایی تجزیه فناترن، از نمونه‌های خاک شور و سدیمی آلوده به پسماند‌های نفت خام از منطقه بهره برداری نفت و گاز سراجه قم جداسازی گردید. آزمایش‌های متعدد بر اساس صفات شکلی و بیوشیمیایی و آنالیز توالی ژن 16S rDNA نشان داد که این جدایه با *Halobacillus dabanensis* ۹۹/۸٪ تشابه دارد. سویه Q-SH1 در طی ۱۰ روز، توانایی تجزیه ۸۳ درصد فناترن در محلول با شوری ۱۰ درصد و حاوی غلظت 40 mg L^{-1} فناترن را داشت. شرایط بهینه برای رشد سویه Q-SH1 pH ۷/۶، دمای 37°C و شوری ۱۰ درصد تعیین گردید. نتایج نشان داد که سویه Q-SH1 توانست فناترن را در گستره وسیعی از غلظت نمک (۵ تا ۲۷٪) تجزیه نماید.

واژه های کلیدی: باکتری شور دوست، تجزیه زیستی، خاک شور و سدیمی، فناترن

مقدمه

می‌گیرد. از آنجایی که بسیاری از ذخایر نفتی جهان در مناطق خیلی شور قرار دارند (Aizenshtat *et al.* 1999) و استخراج نفت خام نیز با آب‌های شور همراه می‌باشد بنابراین بسیاری از مناطق آلوده به نفت خام و مشتقات آن‌ها با معضل شوری مواجه هستند. در اکثر موارد زیست پالایی راهکار اصلی برای حذف آلاینده های آلی می‌باشد (Sepic *et al.*, 1998). اگرچه بسیاری از فرایندهای اصلاح زیستی در شرایط طبیعی قابل درک می‌باشد اما اطلاعات مربوط به تجزیه زیستی توسط میکروبی‌های شور دوست نادر و مشکلات زیادی هنوز لاینحل باقی مانده است. تاثیر شوری بر تجزیه هیدروکربن‌ها بوسیله سویه‌های جدا شده و کنسرسيوم میکروبی توسط محققین متعددی بررسی گردید (Diaz *et al.* 2002; Mille *et al.* 1991; Riss *et al.* 2003; Zhao *et al.* 2009; McGenity 2010). Diaz *et al.* (2002) گزارش دادند که تجزیه میکروبی فناترن در شوری ۴ درصد حداکثر می‌باشد. Zhao *et al.* (2009) نیز گزارش دادند که بیشترین تجزیه فناترن توسط کنسرسيوم میکروبی شور دوست (*Marinobacter flavimaris*, *Halomonas salina*, *Alcanivorax sp.*) در شوری ۵ درصد انجام گرفت و با افزایش و کاهش میزان شوری، میزان تجزیه زیستی فناترن توسط کنسرسيوم میکروبی شور دوست کاهش یافت. سویه

نفت خام یا مشتقات آن در طی مراحل اکتشاف، بازیافت، تولید، پالایش، انتقال و ذخیره سازی ممکن است به محیط زیست وارد شوند و منجر به آلودگی خاک ها و آب دریاها گردند بنابراین وجود و رهاسازی این چنین ترکیباتی می‌تواند بر سلامت بشر و محیط زیست تاثیرات سوئی داشته باشد. هیدروکربن‌های آروماتیک چندحلقه ای یک گروه بزرگ و متنوعی از ترکیبات نفتی را تشکیل می‌دهند. این ترکیبات معمولاً در طی سوختن ناقص مواد آلی تشکیل می‌شوند بنابراین در غلظت‌های نسبتاً زیادی در مشتقات حاصل از پالایش سوخت‌های فسیلی یافت می‌شوند (Nishloka *et al.*, 1986). فناترن از جمله هیدروکربن‌های آروماتیک چندحلقه‌ای اصلی مورد توجه می‌باشد و از آنجایی که ساختار شیمیایی آن در ساختار ترکیبات سرطان‌زا مانند بنزو (آ) پایرین وجود دارد به عنوان یکی از ترکیبات شاخص جهت تعیین آلودگی بکار می‌رود و در مطالعات مربوط به تجزیه زیستی به عنوان مدلی از هیدروکربن‌های آروماتیک چندحلقه‌ای مورد استفاده قرار

(Sparling *et al.*, 1989). از آنجایی که جداسازی و شناسایی باکتری‌های شور دوست و بررسی تاثیر برخی از عوامل محیطی بر آن‌ها می‌تواند به عنوان راهکار مناسبی جهت استفاده از پتانسیل محیط‌های آلوده جهت اصلاح آنها باشد. لذا این تحقیق با هدف جداسازی، شناسایی و بررسی تاثیر شوری، دما و غلظت فناترین بر تجزیه زیستی آن توسط سویه باکتریایی شور دوست انجام شد.

مواد و روش‌ها

نمونه برداری از خاک

نمونه برداری از ۴ خاک شور و سدیمی آلوده به نفت خام در منطقه بهربرداری نفت و گاز سراجه قم در ایران انجام گردید (جدول ۱). خاک‌های آلوده از عمق ۰ تا ۳۰ سانتیمتری از سطح خاک نمونه برداری گردید. نمونه‌ها به آزمایشگاه منتقل و تا زمان انجام آزمایش در دمای ۴°C نگهداری شدند. پارامترهای مهم خاک شامل EC، pH، درصد رطوبت اشباع، غلظت کاتیون-های غالب خاک شامل سدیم، کلسیم، منیزیم و پتاسیم و آنیون‌های مهم شامل کلر، سولفات، کربنات و بی‌کربنات با روش‌های استاندارد اندازه‌گیری گردید (Sparks, 1996) (جدول ۲) و بر اساس آن محیط کشت مورد نیاز جهت جداسازی باکتری‌های شور دوست انتخاب شد.

Ochrobactrum sp. VA1 توانایی تجزیه ۹۲ درصد فناترین با غلظت 3 mg L^{-1} در شوری ۳ درصد NaCl را نشان داد اما با افزایش شوری به ۶ درصد، تجزیه فناترین کاهش یافت (Arulazhagan and Vasudevan, 2011). این نتایج نشان می‌دهد که در اکثر موارد، شوری به شدت بر تجزیه زیستی تاثیرگذار بوده است و تنها در شوری کم و یا در گستره محدودی، باکتری توانایی تجزیه هیدروکربن‌ها را داشته است. سرعت کاهش و حذف طبیعی هیدروکربن‌های آروماتیک در محیط‌های شور کم می‌باشد (McGenity 2010). با افزایش میزان شوری، تجزیه زیستی هیدروکربن‌ها به دلایل مختلفی از جمله کاهش فعالیت میکروبی، کاهش زیست فراهمی آلاینده‌ها، کمبود میزان اکسیژن محلول (Whitehouse 1984) و کاهش تعداد و نوع سوپسترای مورد استفاده (Riis *et al.*, 2003) کاهش می‌یابد. علاوه بر آن ممکن است در شرایط شوری زیاد، آبدوستی سطح سلول ریزجانداران شور دوست افزایش یابد (Hart and Vreeland 1988) که این امر اتصال و نزدیکی سلول‌های میکروبی به هیدروکربن‌ها که معمولا آبرگیز هستند را کاهش می‌دهد. در شرایط شور میکروب‌ها از تنش اسمزی زبان می‌بینند که ناشی از خشک شدن و تحلیل رفتن سلول‌هاست. با این وجود برخی از ریزجانداران خاک توانایی سازگاری و تحمل تنش اسمزی ناشی از خشکی و شوری را دارا هستند، بویژه زمانی که مرتبا در معرض چنین شرایطی باشند

جدول ۱- مختصات جغرافیایی مکان‌های نمونه برداری و مدت زمان آلودگی

محل دفن پسماند	مختصات جغرافیایی	ارتفاع از سطح دریا (متر)	مدت زمان آلودگی (سال)	نمونه های خاک
۱	N ۳۴ ۳۰' ۴/۴" E ۵۱ ۱۶' ۳۰/۴"	۸۲۶	۱	۲و۱
۲	N ۳۴ ۲۹' ۳۸/۷" E ۵۱ ۱۶' ۵۵/۰"	۸۲۲	۱۰	۴و۳

جدول ۲- نتایج برخی از پارامترهای شیمیایی خاک‌های شور و سدیمی آلوده به نفت خام

نمونه‌های خاک	Na ⁺	Ca ⁺²	Mg ⁺²	K ⁺	Cl ⁻	HCO ₃ ⁻	CO ₃ ²⁻	SO ₄ ²⁻	EC (dS m ⁻¹)	pH	SAR	SP (%)
۱	۱۰۲۱/۷	۵۱۵	۱۲۵	۲/۷۶	۱۷۴۰	۵/۶	۰	۳۸/۳۴	۱۲۳/۲	۷/۸۳	۵۷/۱۱	۳۹/۴
۲	۱۱۹۳/۲	۵۳۰	۱۲۰	۳/۷۳	۱۹۷۴	۵/۴	۰	۴۵/۳۹	۱۳۶/۸	۷/۹۲	۶۶/۱۸	۳۹/۲۲
۳	۳۳۰۹/۸	۸۲۵	۱۴۰	۲۴/۱۲	۴۷۰۰	۱۰	۱/۴	۱۸/۳۹	۲۲۶	۷/۹۵	۱۵۰/۶۷	۲۷/۲۳
۴	۳۱۵۹/۹	۷۸۰	۱۴۵	۲۴/۹۴	۴۴۰۰	۹/۶	۱/۲	۱۶/۵۹	۲۲۲	۷/۹	۱۴۳/۹۳	۲۸/۴۷

جهت نمونه برداری استفاده شد. نمونه‌ها به آزمایشگاه منتقل و تا زمان استفاده در دمای ۴°C نگهداری شدند. به همین منظور ۱۰ گرم از خاک آلوده به نفت خام به فلاسک ۵۰۰ میلی لیتری

غنی سازی و جداسازی باکتری‌های شور پسند دارای توانایی تجزیه فناترین از خاک‌های شور از خاک شور و سدیمی آلوده به پسماندهای نفت خام

یافته در محیط حاوی فنانترن، به عنوان جدایه مثبت در تجزیه فنانترن ثبت گردید (Kumar et al., 2008).

در روش کدورت، ۵/ میلی لیتر از سوسپانسیون تهیه شده از جدایه‌های رشد یافته بر روی پلیت‌های نوترینت آگار (معادل ۰/۵ مک فارلند) به لوله‌های حاوی محیط کشت استریل شده دارای ۱۰ میلی لیتر از محیط نمکی و ۸۰۰ میکروگرم فنانترن تلقیح و سپس در محیط تاریک در گرمخانه شیکر دار با دور ۱۵۰ rpm و دمای ۳۷°C به مدت ۱۰ شبانه روز گرماگذاری شد. مشاهده کدورت ناشی از رشد جدایه‌ها به عنوان جدایه تجزیه کننده فنانترن انتخاب گردیدند.

ارزیابی تجزیه زیستی فنانترن در باکتری‌های مقاوم به شوری به مقدار یک میلی لیتر از سوسپانسیون تهیه شده از جدایه‌های رشد یافته در محیط کشت مایع با مکمل فنانترن (با کدورت معادل ۰/۵ مک فارلند)، به لوله‌های آزمایش حاوی ۱۰ میلی لیتر محیط کشت نمکی و ۴۰۰ میکرولیتر از محلول ذخیره فنانترن (۱۰۰۰ میلی گرم در لیتر استون) پس از تبخیر حلال تلقیح شدند و در ۳۷°C در محیط تاریک به مدت ۱۰ روز گرماگذاری شدند. جهت تهیه نمونه برای آنالیز با دستگاه‌های اسپکتروفتومتری و HPLC، ابتدا محتویات لوله‌های آزمایش با دور ۹۰۰۰ دور در دقیقه به مدت ۲۰ دقیقه سانتریفیوژ شدند. جهت استخراج فنانترن بر روی محلول رویی جدا شده، ۱۰ میلی لیتر n-هگزان اضافه و به مدت ۵ دقیقه ورتکس گردید. در نهایت فاز آلی آبگیری شده با سولفات سدیم بدون آب جهت تعیین غلظت فنانترن باقی مانده با دستگاه اسپکتروفتومتر در طول موج ۲۹۳ نانومتر اندازه‌گیری و نتایج حاصل از آن با دستگاه HPLC تأیید گردید (Kelley et al., 1991).

بررسی تاثیر شوری، دما و غلظت فنانترن بر میزان تجزیه فنانترن توسط جدایه برتر جهت تعیین تاثیر غلظت‌های مختلف شوری بر تجزیه فنانترن، به میزان ۵ درصد حجمی از جدایه برتر رشد یافته در محیط حداقل با مکمل فنانترن با کدورت معادل ۰/۵ مک فارلند، به محیط کشت تغییر یافته McGenity 2010 در غلظت‌های (۰/۵، ۱، ۵، ۱۰، ۱۵، ۲۰، ۲۵ و ۲۷ درصد نمک) حاوی ۴۰ mg L⁻¹ فنانترن تلقیح گردید و پس از گرماگذاری و استخراج نمونه‌ها، توانایی باکتری‌های تجزیه کننده فنانترن برای تجزیه فنانترن در غلظت‌های مختلف نمک آزمایش شدند. لازم به ذکر می باشد که منظور از درصد‌های نمک مخلوطی از ۴ نمک ، KCl ، NaCl، Na₂SO₄، MgCl₂.6H₂O با نسبت های ارائه شده در جدول شماره ۳ می باشد. برای بررسی تاثیر دما از

حاوی ۱۰۰ میلی لیتر از محیط کشت تغییر یافته McGenity (2010) (جدول ۳) دارای ۸۰ mg L⁻¹ فنانترن اضافه گردید و سپس به مدت ۷ روز روی شیکر با دور ۱۵۰ rpm و دمای ۳۷°C گرماگذاری شد. جهت تکمیل فرایند غنی سازی، ۱۰ میلی لیتر از محیط کشت غنی شده به ۹۰ میلی لیتر از محیط کشت نمکی تازه دارای تمام شرایط قبل انتقال داده شد و این عمل حداقل ۸ بار تکرار گردید. به منظور جداسازی جدایه‌ها، پس از مشاهده کدورت، از محیط کشت غنی سازی شده نهایی سری رقت تهیه گردید و به پلیت‌های نوترینت آگار دارای ترکیب نمکی محیط کشت انتقال داده شد و پس از گرماگذاری در دمای ۳۷°C، سوبه‌های رشد یافته از محیط کشت جامد جداسازی گردیدند.

جدول ۳- ترکیبات محیط کشت تغییر یافته (McGenity 2010)

مقادیر	اجزاء
g۸۲/۸۵	NaCl MgCl ₂ .6H ₂ O
g۲۴/۱	KCl
g۲/۵۳	Na ₂ SO ₄
g۲/۱۸	Tris-HCl(1M;pH 7.6)
ml۲۰	عصاره مخمر
محلول B تهیه شده در ۱۰۰ ml آب مقطر	
حجم (ml)	اجزاء
۰/۶	H ₃ BO ₃ (400mM)
۰/۷	SrCl ₂ (400mM)
۰/۷	NaF(70mM)
۱	NH ₄ Cl(500mM)
۱	KH ₂ PO ₄ (100mM)
۲	Trace element solution SL-10:
محلول C تهیه شده در ۱۰۰ ml آب مقطر	
حجم (ml)	اجزاء
۱۰ ml	CaCl ₂ .2H ₂ O (۱M)

(هر سه محلول جداگانه اتوکلاو و پس از سرد شدن مخلوط شدند)

غربالگری باکتری‌های قابل رشد در محیط حاوی فنانترن سوبه‌های خالص جداسازی شده از مراحل غنی سازی با فنانترن، با دو روش spray-plated و اندازه‌گیری کدورت محیط کشت حاوی فنانترن، مورد ارزیابی قرار گرفت. در روش spray-plated، محلول استون حاوی یک درصد فنانترن بر روی پلیت-های محیط کشت حاوی آگار اسپری شد. بعد از تبخیر حلال، جدایه‌ها بر روی پلیت نقطه گذاری و در ۳۷°C گرماگذاری گردیدند. ایجاد هاله شفاف در اطراف کلنی جدایه‌های رشد

از معادله زیر درصد آبگریزی محاسبه گردید. در واقع درصد سلول انتقال یافته به درون فاز هیدروکربنی بیانگر درصد آبگریزی سطح سلول می‌باشد (Rosenberg et al., 1985).

$$\left(\frac{\text{تراکم نوری مایع در } 600 \text{ نانومتر}}{1 - \text{تراکم نوری اولیه مایع در } 600 \text{ نانومتر}} \right) \times 100 = \text{درصد سلول انتقال یافته به درون هیدروکربن}$$

شاخص امولسیون کنندگی (E24) بوسیله افزودن هیدروکربن مناسب به همان مقدار از محیط کشت مایع بدون سلول انجام شد از هیدروکربن‌های کروزن، بنزن، n-هگزان و تولوئن برای اندازه‌گیری شاخص امولسیون کنندگی استفاده شد. ۴ میلی لیتر از محیط کشت فاقد سلول به لوله‌های آزمایش منتقل و ۶ میلی لیتر هیدروکربن مربوطه به لوله‌ها افزوده شدند. محتویات درون لوله‌ها به مدت ۲ دقیقه با ورتکس در دور بالا مخلوط و به مدت ۲۴ ساعت در دمای اتاق نگهداری شدند. از تقسیم ارتفاع لایه امولسیون (میلی متر) به ارتفاع کل ستون مایع (میلی متر) شاخص امولسیون کنندگی برحسب درصد بیان شد. کشش سطحی محیط کشت بدون سلول در زمان‌های مختلف پس از تلقیح باکتری به محیط حاوی فنانتین توسط دستگاه تنسیومتر مدل KRUSS اندازه‌گیری گردید (Rosenberg et al 1985).

تمام آزمایشات با سه تکرار انجام گردید و از میانگین داده‌ها و استانداردها خطا جهت تفسیر نتایج استفاده گردید.

نتایج و بحث

مشخصات سویه باکتری

تعداد ۲۱ جدایه باکتریایی از خاک‌های شور آلوده به نفت خام منطقه بهره برداری نفت و گاز سراج قم جداسازی گردید. این مکان بهره‌برداری به دلیل شوری بالای خاک آن و وجود گودال‌های حاوی پسماند نفت خام حایز اهمیت می‌باشد. سویه Q-SH1 جداسازی شده از خاک شور شماره ۱ از بین جدایه‌های بررسی شده با توجه به نتایج میزان تجزیه فنانتین در طی مدت ۱۰ روز از انجام آزمایش به دلیل توانایی بیشتر در تجزیه فنانتین برای مطالعه بیشتر انتخاب گردید. سویه Q-SH1 میله‌ای، گرم مثبت، دارای توانای رشد در شرایط هوازی و بی‌هوازی بوده و همچنین این جدایه دارای توانایی تجزیه قندهای گلوکز، مالتوز و آرابیتوز می‌باشد. سویه Q-SH1 در محدوده دمایی ۱۰ تا ۵۲°C و در شوری ۰/۵ تا ۲۷ درصد، توانایی تجزیه فنانتین را نشان داد. همچنین این سویه قادر به رشد در محدوده pH ۵/۵ تا ۹/۵ بود. آزمایشات تعیین خصوصیات بیوشیمیایی بر طبق مندرجات کتاب سیستماتیک باکتریولوژی برگی و نیز نتایج حاصل از توالی خوانی ژن 16S rRNA نشان داد که سویه Q-SH1 به میزان ۹۹/۸٪ با سویه D-8(T) از

غلظت بهینه ۱۰ درصد شوری و غلظت 40 mg L^{-1} فنانتین در دماهای مختلف (۱۰، ۲۰، ۳۰، ۳۷، ۴۵ و ۵۲°C) استفاده شد. جهت بررسی تاثیر غلظت‌های مختلف فنانتین نیز شوری ۱۰ درصد و دمای ۳۷°C انتخاب و از غلظت‌های ۴۰، ۱۰۰، ۵۰۰، ۱۰۰۰ و ۲۰۰۰ میلی گرم در لیتر فنانتین به عنوان منبع کربن در محیط کشت تغییر یافته McGenity 2010 استفاده شد. تمام آزمایش‌ها در سه تکرار و برای نمونه شاهد از سلول‌های اتوکلاو شده استفاده شد. با گذشت ۱۰ روز از شروع آزمایش، با حال n-هگزان از محیط کشت، عصاره‌گیری و پس از آبگیری با سولفات سدیم بدون آب، غلظت فنانتین باقی مانده با دستگاه اسپکتروفتومتر در طول موج ۲۹۳ نانومتر اندازه‌گیری گردید.

شناسایی جدایه باکتریایی

ویژگی‌های فیزیولوژیک و شکلی جدایه منتخب بر روی محیط نوترینت برات حاوی نمک بهینه و محیط دارای آگار مطالعه بر طبق کتاب سیستماتیک باکتریولوژی برگی انجام شد. نیازهای غذایی جدایه بر محیط Koser (۱۹۲۳) شامل: آمونیوم دهیدروژن فسفات 1 g L^{-1} ، کلرید سدیم 50 g L^{-1} ، نمک اسیدهای الی 20 g L^{-1} ، سولفات منیزیم 2 g L^{-1} ، آگار 1 g L^{-1} ، ۱۵ L برموتیمول بلو 0.8 g L^{-1} ، بررسی گردید. استخراج DNA ژنومیک مطابق روش Pospiech and Neumann (۱۹۹۵)، در مرکز ذخایر زیستی انجام شد. تعیین توالی 16S rDNA توسط شرکت ماکروژن در کره جنوبی (بوسیله سیستم ABI مدل 3730XL) انجام گردید.

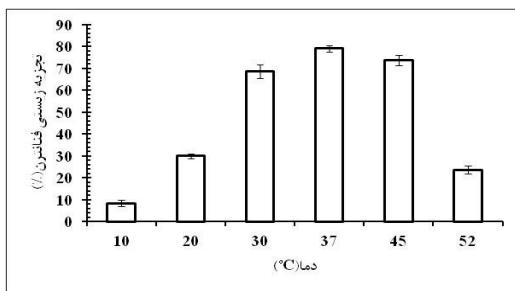
اندازه‌گیری آبگریزی سلول، کشش سطحی محیط کشت و شاخص امولسیون کنندگی

با توجه به نقش سورفکتانت‌های زیستی در افزایش زیست‌فراهمی آلاینده‌های هیدروکربنی آبگریز و تجزیه زیستی آن‌ها، از آزمون چسبندگی باکتریایی به هیدروکربن‌ها (BATH) به منظور اندازه‌گیری آبگریزی سلول‌ها استفاده شد. سلول‌های باکتریایی با سانتریفوژ کردن محیط کشت در دور ۶۰۰۰g به مدت ۲۰ دقیقه در دمای ۴°C و دوبار شستشو با محلول نمکی بدست آمد. سلول‌ها در محلول نمکی بافر (pH=7) حاوی ۱۶/۹ گرم K_2HPO_4 ، ۷/۳ گرم KH_2PO_4 ، ۱/۸ گرم اوره و ۰/۲ گرم $\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$ در لیتر، برای رسیدن به کدورت (OD) ۰/۳ در طول موج ۶۰۰ نانومتر، نگهداری شدند. ۳ میلی لیتر از محیط کشت و به همان حجم هیدروکربن مربوطه به لوله‌های آزمایش منتقل و پس از گذشت ۵ دقیقه بوسیله ورتکس در دور بالا به مدت ۶۰ ثانیه مخلوط گردیدند. محتویات لوله آزمایش به مدت ۱۵ دقیقه در دمای اتاق نگهداری و سپس کدورت (OD) آن‌ها در طول موج ۶۰۰ نانومتر قرائت گردید. با استفاده

می‌دهند (Kapley et al. 1999). به عبارت دیگر رابطه عکسی بین شوری و تجزیه هیدروکربن‌ها گزارش شده است. *et al* Diaz (2002) گزارش کردند که تجزیه میکروبی فنانترن در شوری ۴ درصد حداکثر می‌باشد. *Zhao et al* (2009)، گزارش کردند بیشترین تجزیه فنانترن توسط مجموعه‌ای از میکروب-های شور دوست در شوری ۵ درصد انجام گرفت و با افزایش و کاهش شوری، تجزیه زیستی فنانترن توسط کنسرسیوم میکروبی شور دوست کاهش یافت. سویه *Ochrobactrum sp.* VAI توانایی تجزیه ۹۲ درصد فنانترن با غلظت 3 mg L^{-1} فنانترن در شوری ۳ درصد کلرید سدیم را نشان داد اما با افزایش شوری به ۶ درصد، تجزیه فنانترن توسط همان سویه کاهش یافت (Arulazhagan and Vasudevan, 2011).

تأثیر دما بر تجزیه زیستی فنانترن

تأثیر دماهای مختلف بر تجزیه زیستی فنانترن توسط سویه Q-SH1 در طیف دمایی 10°C تا 52°C بررسی شد (شکل ۲). نتایج نشان داد بیشترین تجزیه زیستی در 37°C بود. در دمای 45°C تجزیه زیستی به طور جزئی کاهش یافت که این کاهش اختلاف معنی داری با دمای 37°C نداشت. اما در 30°C تجزیه فنانترن به طور معنی داری کاهش یافت. *Mille* (1991) *et al* Kumar (2007) تجزیه هیدروکربن‌ها در محدوده دمایی محدودتری (30°C – 45°C) گزارش کردند. توانایی تجزیه زیستی فنانترن توسط سویه مذکور در محدوده دمایی وسیع با توجه به نوسانات فصلی دمای محیط زیست و تفاوت دمایی بین خاک سطحی و خاک زیرین حائز اهمیت می‌باشد. تجزیه فنانترن در دمای نسبتاً بالا (37°C – 45°C) از دوجنبه حائز اهمیت می‌باشد از یک طرف در اکثر مناطق نفت خیز ایران و عمده کشورهای بزرگ تولید کننده نفت خام در طی تابستان دما بالا می‌باشد، از طرف دیگر با افزایش دما انحلال پذیری هیدروکربن‌های آروماتیک چندحلقه ای در آب افزایش پیدا می‌کند و در نتیجه زیست فراهمی آنها برای میکروب‌های تجزیه کننده آلاینده‌ها افزایش می‌یابد و در نهایت می‌تواند منجر به افزایش سرعت تجزیه زیستی آنها گردد.



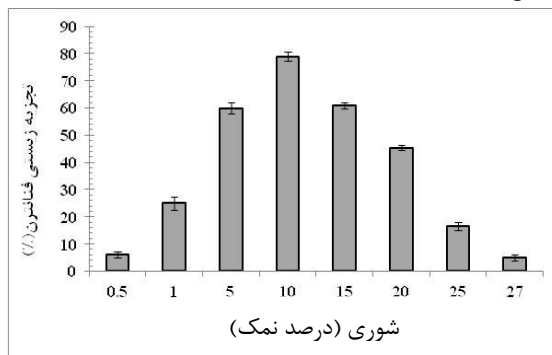
شکل ۲ - تأثیر دماهای مختلف بر تجزیه فنانترن توسط سویه Q-SH1

Halobacillus dabanensis با شماره دسترسی AY351395 قرابت فیلوژنی دارد و تحت شماره JQ305105 در GenBank ثبت گردید.

تأثیر شوری بر تجزیه زیستی

سویه Q-SH1 توانایی تجزیه فنانترن در طیف وسیعی از شوری از ۱ تا ۲۷ درصد را داشت. اگر چه در بسیاری از مطالعات غلظت NaCl به عنوان درصد نمک در نظر گرفته شده است (Ventosa et al., 1998) اما در این مطالعه مخلوطی از نمک‌ها که معمولاً در خاک‌های شور یافت می‌شوند مورد استفاده قرار گرفت. چرا که در نظر گرفتن چندین نمک به شرایط طبیعی خاک‌ها نزدیک تر است.

این تحقیق نشان داد بیشترین درصد تجزیه فنانترن در غلظت ۱۰ درصد نمک صورت گرفت و با افزایش و کاهش شوری نسبت به شوری ۱۰ درصد، تجزیه فنانترن کاهش یافت (شکل ۱).

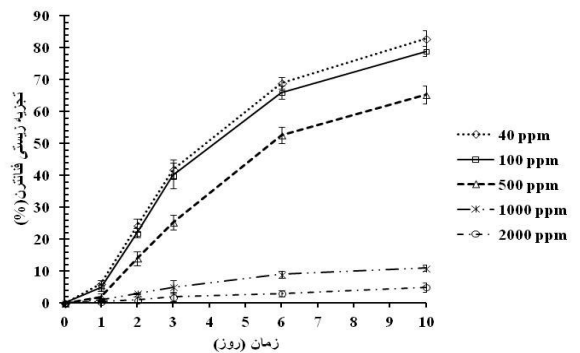


شکل ۱- تأثیر درصدهای مختلف نمک (شوری) بر درصد تجزیه فنانترن توسط سویه Q-SH1 در غلظت 40 mg L^{-1} در دمای 37°C پس از ۱۰ روز. خطوط خطا بیانگر خطای استاندارد در سه تکرار آزمایش می‌باشد

با این وجود نتایج نشان داد که این سویه توانایی نسبتاً بالایی در تجزیه فنانترن در ۵ و ۱۵ درصد نمک را نیز دارا می‌باشد اما در سایر غلظت‌های نمک میزان تجزیه فنانترن به صورت معنی داری کاهش یافت. کلنی‌های تشکیل شده در شوری ۱/۵، ۱، ۲۰، ۲۵، ۲۷ درصد شوری کوچک تر از کلنی‌های تشکیل شده در محیط دارای شوری ۱۰، ۱۵ و ۵ درصد بود و بزرگترین کلنی‌ها در ۱۰ درصد شوری تشکیل شد. میکروب-های شور دوست در آب‌های شور، خاک‌های شور و دریاچه‌ها یا حوضچه‌های نمک به تعداد زیاد یافت می‌شوند. با وجود اینکه میکروب‌ها در محدوده وسیعی از محیط‌های خیلی سخت یافت شده‌اند اما توانایی آنها در تجزیه ترکیبات آلاینده محیط به خوبی مطالعه نشده‌اند. باکتری‌های تجزیه کننده هیدروکربن‌ها توانایی تجزیه نفت خام را در غلظت 30 g L^{-1} NaCl از دست

تأثیر غلظت های متفاوت فنانترون بر تجزیه آن

تجزیه فنانترون توسط سویه Q-SH1 ابتدا از طریق تشکیل هاله شفاف بر روی محیط کشت جامد حاوی فنانترون اثبات گردیده . Kumar و همکاران (2008) تایید نمودند که رشد باکتری و تشکیل هاله شفاف بر روی پلیت آگار- آگار حاوی هیدروکربن نشان دهنده استفاده از هیدروکربن به عنوان منبع کربن می باشد. توانایی این سویه در استفاده از فنانترون با افزایش رشد باکتری همراه با کاهش غلظت فنانترون در محیط کشت مایع تغییر یافته McGenity 2010 بیشتر اثبات گردید. سویه Q-SH1 توانست در شوری ۱۰ درصد در طی مدت ۱۰ روز، فنانترون را در غلظت های مختلفی (40 mg L^{-1} ، 100 mg L^{-1} و 500 mg L^{-1}) به صورت چشمگیری کاهش دهد. نتایج نشان داد که ۸۳ درصد فنانترون در غلظت 40 mg L^{-1} در مدت ۱۰ روز توسط سویه Q-SH1 تجزیه شد (شکل ۳). اما با افزایش غلظت فنانترون درصد تجزیه آن توسط همین سویه کاهش پیدا کرد.



شکل ۳- سینتیک تجزیه زیستی فنانترون در غلظت های مختلف توسط سویه Q-SH1 در دمای 37°C

سایر محققین نیز گزارش کردند که با افزایش غلظت فنانترون درصد تجزیه آن کاهش می یابد. به عنوان مثال (Arulazhagan and Vasudevan, 2009) افزایش غلظت فنانترون از 20 mg L^{-1} به 50 mg L^{-1} و 100 mg L^{-1} ، تجزیه فنانترون به ترتیب ۶ و ۲۱ درصد نسبت به غلظت 20 mg L^{-1} در مدت ۴ روز دوره آزمایش توسط مجموعه میکروبی در شوری ۳ درصد کاهش یافت. اگرچه با افزایش غلظت آلاینده درصد تجزیه آن کاهش یافته است اما با افزایش غلظت فنانترون از 40 mg L^{-1} به 500 mg L^{-1} سرعت تجزیه فنانترون روند افزایشی را نشان داد که می تواند به دلیل استفاده باکتری از فنانترون به عنوان منبع کربن باشد. اما با افزایش غلظت فنانترون به 1000 mg L^{-1} سرعت تجزیه فنانترون نسبت به غلظت های کمتر کاهش یافت که احتمالاً به دلیل سمیت ناشی از غلظت های زیاد فنانترون برای این سویه می باشد.

بیشترین سرعت تجزیه فنانترون در غلظت 500 mg L^{-1} در طی ۶ روز بوده است ($43/9 \text{ mg L}^{-1} \text{ day}^{-1}$). با گذشت زمان سرعت تجزیه کاهش یافت که ممکن است به دلیل تولید متابولیت های سمی در طی فرآیند تجزیه باشد. سویه *Burkholderia cocovenenans* (BU-3) ۹۵ درصد فنانترون را در مدت ۱۶ روز در غلظت های 100 mg L^{-1} و 500 mg L^{-1} کاهش داد. با افزایش غلظت فنانترون به 1000 mg L^{-1} ، ۶۵ درصد آن تجزیه گردید (Wong et al., 1999). این محققین بیشترین سرعت تجزیه فنانترون را $4/2$ میلی گرم بر ساعت در طی ۲ تا ۴ روز از شروع آزمایش گزارش کردند. تجزیه فنانترون با سرعت $2/9$ تا $3/3$ میلی گرم در ساعت توسط *Mycobacterium sp.* انجام شد (Boldrin et al., 1993; Tiehm, 1994). محققین گزارش دادند که سویه H-28 از *Halomonas eurihalina* قادر است ۵۰ درصد فنانترون را در غلظت $51/3 \text{ g L}^{-1}$ کلرید سدیم تجزیه نماید. (Martínez-Checa et al., 2002). Al-Mailem و همکاران (2010) گزارش کردند که ۴ جدایه آرکئا شور دوست توانایی تجزیه تنها ۱۳ تا ۳۰ درصد فنانترون بسته به نوع و شرایط پس از ۳ هفته از شروع آزمایش را دارند.

اندازه گیری کشتش سطحی، آبریزی سطح سلول و شاخص امولسیون کنندگی

نتایج نشان داد که شاخص امولسیون کنندگی در محلول فاقد سلول قابل توجه نبود. مقادیر کشتش سطحی در محیط بدون سلول باکتری نیز مبین این بود که کشتش سطحی محیط کشت به طور جزئی کاهش یافت اما مقدار کاهش قابل ملاحظه نبود (شکل ۴-ا). آبریزی سلول های باکتریایی با اندازه گیری درصد سلول های انتقال یافته از فاز محیط کشت به فاز آلی هگزان و بنزن مورد بررسی قرار گرفت. نتایج نشان داد که سلول های سویه Q-SH1 دارای خاصیت آب گریزی بالایی در محیط کشت دارای فنانترون بودند به طوری که حتی ۸۳ درصد سلول باکتری به فاز هیدروکربن انتقال یافتند و میزان آن در طول زمان آزمایش متغییر بود (شکل ۴-ب). آبریزی سطح سلول فاکتور مهمی است که بر روی جذب و چسبندگی میکروبی به سوبستراهای هیدروکربنی موثر می باشد (Whyte et al., 1998). Gesheva و همکاران (2010) نیز آبریزی بالایی سطح سلول را به عنوان فرایند غالب در تجزیه فنانترون و رشد باکتری *Rhodococcus fascians* بیان کردند. سایر محققین نیز گزارش کردند که سورفکتانت های زیستی می توانند نقش مهمی در تغییر خاصیت آبریزی سلول ایفا کنند. در نتیجه باعث افزایش تمایل سلول های میکروبی به سمت سوبسترا می شوند و نهایتاً زیست فراهمی سوبسترا را افزایش می دهند (Rosenberg and Rosenberg 1985).

فرآیند غالب در تجزیه فنانترن بر روی محیط دارای فنانترن - باشد.

نتیجه گیری نهایی

مطالعات سه دهه اخیر نشان می‌دهد که طیف گسترده ای از میکروبها در شرایط محیطی سخت مانند دما و شوری بالا زندگی می‌کنند. این میکروبها نه تنها قادرند چنین شرایطی را تحمل کنند بلکه برای رشد و زنده ماندن به این چنین شرایطی نیاز دارند. میکروبهای که در چنین شرایطی رشد کرده اند دارای توانایی منحصر به فرد هستند که با استخراج، شناسایی و بررسی تواناییهای آنها می‌توان در فناوریهای زیستی نوین جهت رفع آلودگیهای زیست محیطی مورد استفاده قرار گیرند. محققین متعددی بر موثر بودن استفاده از باکتریهای شور دوست و تحمل کننده گرما که دارای توانایی تجزیه هیدروکربنها هستند در اصلاح محیطهای آلوده به نفت خام بخصوص در جاهایی که شوری و دما بالاست تاکید کرده اند (Leon and Kumar 2005; Borgne and Quintero 2003).

جداسازی سویه Q-SH1 از خاک شور و سدیمی آلوده به پسماند نفتی نشان داد که باکتریهای بومی محیطهای سخت و آلوده به دلیل آداپته شدن با چنین شرایطی در طی زمان ممکن است دارای تواناییهای ویژه‌ای در تجزیه آلایندهها و تحمل شرایط سخت باشند. مقایسه نتایج این تحقیق با یافته‌های سایر محققین نشان می‌دهد که سویه Q-SH1 باکتریایی قادر به تجزیه فنانترن در طیف وسیعی از دما، شوری و غلظت فنانترن می‌باشد با توجه به این توانایی ممکن است که سویه Q-SH1 شور دوست و تحمل کننده دما برای اصلاح اکوسیستمهای آلوده به نفت خام در محدوده وسیعی از شوری و دما مفید باشد.

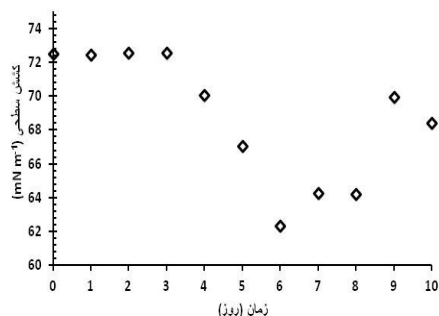
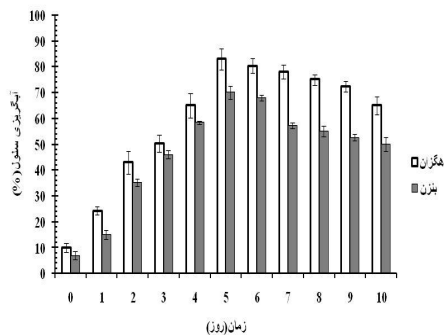
سپاسگزاری

این تحقیق با حمایت مالی صندوق حمایت از پژوهشگران کشور در قالب طرح شماره ۸۹۰۰۳۹۳۲ انجام گردیده که بدینوسیله تشکر و قدردانی می‌نماید.

REFERENCES

Aizenshtat, Z., Miloslavski, I., Aschengrau, D. and Oren, A. (1999). Hypersaline depositional environments and their relation to oil generation. pp. 89-108 In: Oren, A. (ed.), *Microbiology and biogeochemistry of hypersaline environments*. CRC Press, Boca Raton.

Al-Mailem, D. M., Sorkhoh, N. A., Al-Awadhi, H., Eliyas, M. and Radwan, S. S. (2010). Biodegradation of crude oil and pure hydrocarbons by extreme halophilic archaea from hypersaline coasts of the persian Gulf.



شکل ۴- a: درصد آبگریزی سلول در محیط شور حاوی فنانترن نسبت به زمان. b: تغییرات کشش سطحی محیط کشت بدون سلول

سورفکتانت‌های زیستی شامل طیف وسیعی از ترکیبات فعال سطحی مانند گلیکولیپید، لیپوپپتید، کمپلکس پلی ساکارید - پروتئین، فسفولیپید، اسیدهای چرب و چربی‌های خنثی هستند (Bodour and Maier, 2002). سورفکتانت‌های زیستی یا ترکیبات برون سلولی هستند یا بر روی سطوح سلول قرار دارند. برای مورد دوم خود سلول‌های میکروب سورفکتانت زیستی هستند و به هیدروکربن می‌چسبند. در این مسیرها سورفکتانت زیستی قادر است زیست فراهمی هیدروکربن‌های آرماتیک چندحلقه‌ای مانند فنانترن که انحلال پذیری پائینی دارند را افزایش دهد (Gilewicz et al., 1997; Olivera et al., 2003). با توجه به آبگریزی بالای سطح سلول‌های باکتری، تماس مستقیم سلول با آلاینده هیدروکربنی می‌تواند به عنوان

Extremophiles, 14,321-328.

Arulazhagan, P. and Vasudevan, N. (2009). Role of a moderately halophilic bacterial consortium in the biodegradation of polyaromatic hydrocarbons. *Marine Pollution Bulletin*, 58, 256-262

Arulazhagan, P. and Vasudevan, N. (2011). Biodegradation of polycyclic aromatic hydrocarbons by a halotolerant bacterial strain *Ochrobactrum* sp. VA1. *Marine Pollution Bulletin*, 62, 388-394

Bodour, A. A. and Maier, R. M. (2002). Biosurfactants:

- types, screening methods, and applications. In: Bitton G (ed) Encyclopedia of environmental microbiology, 1st edn. Wiley, Hoboken, New Jersey, pp 750–770
- Boldrin, B., Tiehm, A. and Fritzsche, C. (1993). Degradation of phenanthrene, fluorene, fluoranthene, and pyrene by a *Mycobacterium* sp., *Applied Environmental Microbiology*, 59, 1927-1930.
- Borgne, S. L. and Quintero, R. (2003). Biotechnological processes for refining of petroleum. *Fuel Process Technology*, 81,155–169
- Diaz, M. P., Boyd, K. G., Grigson, S. J. and Burgess, J. G. (2002). Biodegradation of crude oil across a wide range of salinities by an extremely halotolerant bacterial consortium MPD-M, immobilized onto polypropylene fibers. *Biotechnology and Bioengineering*, 79,145–153.
- Gesheva, V., Stackebrandt, E. and Vasileva-Tonkova, E. (2010). Biosurfactant Production by Halotolerant *Rhodococcus fascians*. *Current Microbiology*, 61,112–117
- Gilewicz, M., Ni'matuzahroh, T., Nadalig, H., Budzinski, H., Doumenq, P., Michotey, V. and Bertrand, J. C. (1997). Isolation and characterization of a marine bacterium capable of utilizing 2-methylphenanthrene. *Applied Microbiology and Biotechnology* 48, 528- 533.
- Hart, D. J. and Vreeland, R. H. (1988). Change in the hydrophobic- htdrophilic cell surface character of *Halomonas elongate* in response to NaCl . *Journal of Bacteriology*, 170,132-135
- Kapley, A., Purohit, H.J., Chhatre, S., Shanker, R., Chakrabarti, T. and Khanna, P. (1999). Osmotolerance and hydrocarbon degradation by a genetically engineered microbial consortium. *Bioresource Technology*, 67, 241–245.
- Kelley, I., and C.E. Cerniglia. (1991). The metabolism of fluoranthene by a species of mycobacterium. *Journal of Industrial microbiology* 7, 19-26.
- Kiyohara, H., Nagao, K. and Yana, K. (1982). Rapid screen for bacteria degrading water-insoluble, solid hydrocarbons on agar plates. *Applied Environmental Microbiology*, 43,454–457.
- Koser, S.A (1923). Utilization of the salts of organic acids by the colon-aerogenes group. *Journal of Bacteriology*, 8, 493- 520.
- Kumar, M., León, V., Materano, A. D. S. and Ilzins, O. A. (2007). A halotolerant and thermotolerant *Bacillus* sp. Degrades hydrocarbons and produces tensio-active emulsifying agent. *World Journal of Microbiology Biotechnology*, 23,211–220.
- Kumar, M., León, V., Materano, A. D. S., Ilzins, O. A. and Luis, L. (2008). Biosurfactant production and hydrocarbon-degradation by halotolerant and thermotolerant *Pseudomonas* sp. *World Journal of Microbiology and Biotechnology*, 24,1047–1057.
- Leon, V. and Kumar, M. (2005). Biological upgrading of heavy crude oil. *Biotechnology and Bioprocess Engineering*, 10, 471–481
- Martínez-Checa, F., Toledo, F.L., Vilchez, R., Quesada, E., and Calvo, C. (2002). Yield production, chemical composition, and functional properties of emulsifier H28 synthesized by *Halomonas eurihalina* strain H-28 in media containing various hydrocarbons. *Applied Microbiology and Biotechnology*, 58, 358–363.
- McGenity, T. J (2010). Halophilic hydrocarbon degraders. In: Timmis KN (ed) Handbook of hydrocarbon and lipid microbiology. Springer, Berlin. doi:10.1007/978-3-540-77587-4_123
- Mille, G., Almallah, M., Bianchi, M., Van Wambeke, F. and Bertrand, J. C. (1991). Effect of salinity on petroleum biodegradation. *Fresenius Journal of Analytical Chemistry*, 339, 788–791
- Nishloka, M., Chang, H. C. and Lee, M. L. (1986). Structural characteristics of polycyclic aromatic hydrocarbon isomers in coal tars and combustion products. *Environmental Science and Technology*, 20,1023-1027.
- Olivera, N. L., Commendatore, M. G., Delgado, O. and Esteves, J. L. (2003). Microbial characterization and hydrocarbon biodegradation potential of natural bilge waste microflora *Journal of Industrial microbiology and Biotechnology*, 30, 542-548.
- Pospiech A., Neumann B. 1995. A versatile quick-prep of genomic DNA from Gram-positive bacteria. *Trends Genet.* 11: 217–218.
- Riis, V., Kleinstaub, S. and Babel, W. (2003). Influence of high salinities on the degradation of diesel fuel by bacterial consortia. *Canadian Journal of Microbiology*, 49,713-721.
- Rosenberg, M., Gutnick, D. and Rosenberg, E. (1980). Adherence of bacteria to hydrocarbons: a simple method for measuring cell surface hydrophobicity. *FEMS Microbiology Letter*, 9, 29-33
- Sepic, E., Bricelj, M. and Leskovsek, H. (1998). Degradation of fluoranthene by *Pasteurella* sp. IFA and *Mycobacterium* sp. PYR-1: Isolation and identification of metabolites. *Journal of Applied Microbiology*, 85,746–754.
- Sparks, D.L. (1998). Methods of Soil Analysis Part 3. Chemical Methods. American Society of Agronomy, Inc. Madison, Wisconsin, USA.
- Sparling, G.P. (1997). Soil microbial biomass, activity and nutrient cycling as indicators of soil health. *Biological Indicators of Soil Health*,97-119.
- Tiehm, A. (1994). Degradation of polycyclic aromatic hydrocarbons in the presence of synthetic surfactants, *Applied Environmental Microbiology*, 60, 258-263.
- Ventosa, A., Nieto, J. J. and Oren, A. (1998). Biology of moderately halophilic aerobic bacteria. *Microbiology Molecular Biology Reviews*, 62,504–544
- Wang, Z., Fingas, M., Shu, Y.Y., Sigouin, L., Landriault, M., Lambert, P., Turpin, R., Campagna, P. and Mullin, J. (1999). Quantitative characterization of PAHs in burn residue and soot samples and differentiation of pyrogenic PAH1 from petrogenic PAHs - The 1994 mobile burn study. *Environmental Science and Technology*, 33,3100-3109.

- Whitehouse, B. G. (1984). The effects of temperature and salinity on the aqueous solubility of polynuclear aromatic hydrocarbons. *Marine Chemistry*, 14,319–332
- Whyte, L.G., Hawari, J., Zhou, E., Bourbonnierre, L., Innis, W. E. and Greer, C. W. (1998) Biodegradation of variable-chain-length alkanes at low temperatures by a psychotropic *Rhodococcus* sp. *Applied Environmental Microbiology*, 64,2578–2584
- Wong J.W.C., Lai K.M., Wan C.K., Ma K.K. and Fang M. (1999). isolation and optimization of PAH-degradative bacteria from contaminated soil for PAHs bioremediation. *Water, Air, and Soil Pollution*, 139, 1–13
- Zhao, B., Wang, H., Mao, X. and Li, R. (2009). Biodegradation of phenanthrene by a halophilic bacterial consortium under aerobic conditions. *Current Microbiology*, 58(3),205-210